

**Krajowy Naukowy Ośrodek Wiedzący
Poznańskie Konsorcjum RNA**

RNA: RUSH

07-09.12.2016

PROGRAM KONFERENCJI

Środa 07.12.2016

Program konferencji		
15 ³⁰	Wyjazd autobusu z Poznania	Collegium Minus, UAM, ul. Wieniawskiego 1, Poznań
17 ⁰⁰	Przyjazd do Obrzycka	Dom Pracy Twórczej i Wypoczynku UAM, Zamek 1, Obrzycko
17 ⁰⁰ - 17 ³⁰	<i>Zakwaterowanie, kawa, herbata</i>	
17 ³⁰ - 17 ³⁵	Powitanie i otwarcie konferencji	Marek Figlerowicz, Zofia Szwejkowska-Kulińska
17 ³⁵ - 18 ³⁵	Regulation of RNA processing and metabolism by old and new RNA-binding proteins	Gracjan Michlewski
18 ³⁵ - 19 ⁰⁵	Informacja o działalności Krajowego Naukowego Ośrodka Wiedzącego „Poznańskie Konsorcjum RNA” w okresie od 1.01.2014 do 30.06.2016	Bogdan Jackowiak
19 ²⁰	<i>Uroczysta kolacja</i>	
21 ⁰⁰	Wyjazd autobusu do Poznania	

Czwartek 08.12.2016

Program konferencji		
7 ⁰⁰	Wyjazd autokaru z Poznania	Collegium Minus, UAM, ul. Wieniawskiego 1, Poznań
8 ³⁰	Przyjazd do Obrzycka	Dom Pracy Twórczej i Wypoczynku UAM, Zamek 1, Obrzycko
8 ³⁰ - 9 ³⁰	<i>Śniadanie, herbata, kawa</i>	
Niekodujące RNA: biogeneza i funkcja		
9 ³⁰ - 9 ⁴⁵	Revealing the unknown function of the human Dicer DUF283 domain	Anna Kurzyńska-Kokorniak
9 ⁴⁵ - 10 ⁰⁰	Salt stress reveals a new role for ARGONAUTE1 in miRNA biogenesis at the transcriptional and posttranscriptional levels	Jakub Dolata
Życie mRNA: od syntezy do rozpadu		
10 ⁰⁰ - 10 ¹⁵	The APOBEC3B deletion - determination of its consequences on mRNA level and analysis of its role in breast cancer predisposition	Katarzyna Klonowska
10 ¹⁵ - 10 ³⁰	To transcribe or not to transcribe? - regulation of gene expression by premature transcription termination in bacteria	Piotr Machtel
10 ³⁰ - 10 ⁴⁵	RNA-cleaving deoxyribozymes active with cadmium ions and at low pH conditions obtained by the in vitro selection approach	Aleksandra Kasprowicz
10 ⁴⁵ - 11 ¹⁵	<i>Przerwa kawowa</i>	
11 ¹⁵ - 11 ³⁰	Different mechanisms of regulation of gene expression by FUS/TLS in human cells	Katarzyna Dorota Raczyńska
11 ³⁰ - 11 ⁵⁰	RNA Chaperones in Bacteria	Mikołaj Olejniczak
11 ⁵⁰ - 12 ⁰⁵	New potato genetic elements involved in response to drought stress in potato	Marcin Pieczyński
RNA i choroby: patomechanizmy i strategie terapeutyczne		
12 ⁰⁵ - 12 ²⁰	Nuclear speckles are detention centers for transcripts containing expanded CAG repeats	Martyna Urbanek
12 ²⁰ - 12 ³⁵	RAN translation at CAG repeats in SCA3	Magdalena Jazurek
12 ³⁵ - 12 ⁵⁰	CAG repeat targeting with oligonucleotides in polyQ diseases	Agnieszka Fiszer
12 ⁵⁰ - 13 ⁰⁵	Small compounds and antisense oligonucleotides as potential inhibitors of biosynthesis of toxic products of RAN translation from expanded CGG repeats	Patryk Konieczny
13 ⁰⁵ - 13 ²⁰	The RNA/MBNL interaction: structural basis and functional implications	Katarzyna Taylor
13 ²⁰ - 15 ⁰⁰	<i>Obiad</i>	
15 ⁰⁰ - 15 ¹⁵	First crystal structures of RNA containing CUG and CAG repeats in complex with antisense PNA oligomers	Agnieszka Kiliszek
15 ¹⁵ - 15 ³⁰	Expression of circular RNAs in myotonic dystrophy type 1	Karol Czubak
15 ³⁰ - 15 ⁴⁵	Point mutations of APP gene (Amyloid-beta precursor protein) as a target for SNP-selective RNA degradation by ribonuclease H, using modified antisense oligonucleotides	Dorota Magner
15 ⁴⁵ - 16 ⁰⁰	Thrombin binding aptamer - new tricks for old dog?	Anna Pasternak
16 ⁰⁰ - 16 ¹⁵	Identification of miR-218, miR-495 and their interactions in brain tumors	Alicja Rabiasz
16 ¹⁵ - 16 ³⁰	The function of miR-218 and miR-495 in development and progression of brain tumors	Małgorzata Grabowska
16 ³⁰ - 17 ⁰⁰	<i>Przerwa kawowa</i>	

Bioinformatyka RNA		
17 ⁰⁰ - 17 ¹⁵	RNAComposer and RNA 3D structure prediction for nanotechnology	Marcin Biesiada
17 ¹⁵ - 17 ³⁰	RNA extended secondary structure assessment	Agnieszka Rybarczyk
17 ³⁰ - 17 ⁵⁰	Transcriptome-wide analysis of RNA secondary structure	Marek Żywicki
18 ⁰⁰	<i>Kolacja</i>	
20 ⁰⁰	Wyjazd autokaru do Poznania	

Piątek 09.12.2016

Program konferencji		
7 ⁰⁰	Wyjazd autobusu z Poznania	Collegium Minus, UAM, ul. Wieniawskiego 1, Poznań
8 ³⁰	Przyjazd do Obrzycka	Dom Pracy Twórczej i Wypoczynku UAM, Zamek 1, Obrzycko
8 ³⁰ - 9 ³⁰	<i>Śniadanie, kawa, herbata</i>	
Bioinformatyka RNA - cd.		
9 ³⁰ - 9 ⁵⁰	PyRy3D: a software tool for modelling of large macromolecular complexes	Mateusz Dobrychłop
9 ⁵⁰ - 10 ⁰⁵	A potential role of nested retrocopies in the regulation of host gene splicing	Magdalena Kubiak
10 ⁰⁵ - 10 ²⁰	Promotor shift after cells transfection	Wojciech Rosikiewicz
Wirusy RNA		
10 ²⁰ - 10 ³⁵	The nucleic acid chaperone activity of retroviral Gag polyproteins	Katarzyna Pachulska-Wieczorek
10 ³⁵ - 10 ⁵⁰	Searching for new structural RNA elements in the genome of coxsackievirus B3	Mariola Dutkiewicz
10 ⁵⁰ - 11 ²⁰	<i>Przerwa kawowa</i>	
11 ²⁰ - 11 ³⁵	Antisense oligonucleotides targeting influenza A segment 8 genomic RNA inhibit viral replication	Elżbieta Lenartowicz
11 ³⁵ - 11 ⁵⁰	Inhibition of influenza virus by siRNA-mediated RNA interference	Julita Kęsy
Inne		
11 ⁵⁰ - 12 ⁰⁵	Comprehensive analysis of microorganisms accompanying human archaeological remains	Anna Philips
12 ⁰⁵ - 12 ²⁰	Arabidopsis thaliana population analysis reveals high plasticity of the genomic region spanning MSH2, AT3G18530 and AT3G18535 genes and provides evidence for NAHR-driven recurrent CNV events occurring in this location	Agnieszka Żmieńko
12 ³⁰ - 14 ⁰⁰	<i>Obiad</i>	
14 ¹⁵	Wyjazd autobusu do Poznania	



Wi-Fi dostępne podczas trwania konferencji.
Hasło: palacUAM